

Appendix B. DNA Sequences for Random Ambersnail Nuclear Clone 356

Table B1. DNA sequences for random ambersnail nuclear clone 356. The specimen number follows the > symbol, and the DNA sequence starts on the following line and continues until the next > symbol. There are 151 sequences.

>2-03

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>2-04

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>2-05

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>2-06

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>2-07

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>2-09

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>2-10

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>2-11

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>2-12

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>2-15

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTAAAGTAGAG

TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>2-16
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>2-18
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>2-19
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>2-20
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>2-21
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>2-22
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>2-24
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>2-25
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>4-06
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT
>4-07
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT
>4-08
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAWTAAACATTTAACATAT
>4-09
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAWTAAACATTTAACATAT
>4-10
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>4-11
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG

TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>4-12

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>4-13

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCCTGAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>4-14

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCCTGAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>4-15

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>4-16

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCCTGAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>4-17

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>4-18

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>4-19

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>4-20

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCCTGAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>4-21

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>5-01

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCCTGAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-03

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCCTGAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-04

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCCTGAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-05

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCCTGAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG

TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-06

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-07

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-08

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-09

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-10

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-11

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-12 346c

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-13

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-14

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-15

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-16

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-17

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-18

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-19

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAACTTTAAAGTAGAG

TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-20

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-21

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAAAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-22

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-23

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-24

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>5-25

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTGAAAACTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-01

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-05

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-06

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-07

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-08

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-10

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-11

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAN

>6-12

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG

TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAN

>6-13

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-16

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAN

>6-17

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-18

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-19

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-20

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-21

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-22

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>6-24

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTGGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>7-01

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>7-02

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>7-05

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>7-06

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>7-07

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAACCTTTAAAGTAGAG

TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AAAAATTTAACATAT

>7-08

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AAAAATTTAACATAT

>7-09

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AAAAATTTAACATAT

>7-10

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AAAAATTTAACATAT

>7-11

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AAAAATTTAACATAT

>7-12

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAA AAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AACATTTAACATAT

>7-13

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAA AAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AACATTTAACATAT

>7-14

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAA AAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AACATTTAACATAT

>7-15

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AAAAATTTAACATAT

>7-16

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AAAAATTTAACATAT

>7-17

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAA AAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AACATTTAACATAT

>7-18

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AAAAATTTAACATAT

>7-19

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAA AAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AACATTTAACATAT

>7-20

GAATGTGTGTGAGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAAC TTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTA AAAAATTTAACATAT

>8-01

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAA AAC TTTAAAGTAGAG

TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>8-05

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>8-08

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>8-11

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>8-12

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>8-13

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>8-14

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>8-15

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>8-16

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>8-17

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>8-19

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>8-20

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAGTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT

>9-01

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>9-02

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT

>9-03

GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTAAAACCTTTAAAGTAGAG

TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT
>9-18
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT
>9-19
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT
>9-20
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT
>10-01
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT
>10-10
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>10-11
GAATGTGTATGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>10-12
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCTATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTAATAAACATTTAACATAT
>10-18
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>11-02
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>11-11
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>11-17
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>11-22
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCAATTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>11-25
GAATGTGTGTGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTTAAAACCTTTAAAGTAGAG
TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAACATTTAACATAT
>12-01
GAATGTGTATGGGATGCAAGCCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT
AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTTAAAGTAGAG

TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAAACATTTAACATAT

>12-16

GAATGTGTATGGGATGCAAGCCCCATTTCACTGCCATTTTCTGAACGCT

AAATGCTAGTCAAAGAAAGACTGCGTTTCTTCAAACCTTAAAGTAGAG

TTGTTCCATTGTGCGAAAATCCCCTATTAAACATTTAACATAT